

Quantification absolue de Biomarqueur protéique par des approches de spectrométrie de masse ciblée (LC-MRM) - Module 1 (Théorique et pratique in silico)

Objectifs

Dans un premier temps, connaître les différentes stratégies pour la validation par spectrométrie de masse (LC-MRM) d'un biomarqueur protéique/peptidique identifié en amont par d'autres technologies.

- Présentation exhaustive des différentes approches envisageables : pré-analytique et analytique

Dans un deuxième temps, le module inclut un **exemple concret d'application LC-MRM** afin d'illustrer l'approche utilisée pour valider un biomarqueur :

- Purification de la cible d'intérêt par des approches biochimiques
- Design d'une méthode ciblée de spectrométrie de masse
- Validation de méthode incluant les contrôles qualités
- Analyse LC-MRM
- Retraitement/analyses des données.

Public concerné

Techniciens, ingénieurs, chercheurs.

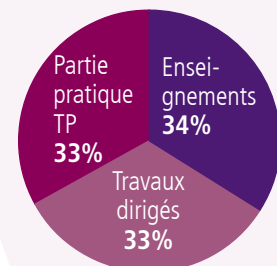
Programme

- Les stratégies d'analyse en protéomique quantitative
- Présentation d'un spectromètre de masse de type triple quadripôle.
- Analyse in silico des biomarqueurs d'intérêts : faisabilité analytique
- Comment intégrer ces résultats aux bases de données publiques ?
- Quantification ciblée (LC-MRM) de biomarqueurs protéiques
 - Sélection des peptides/transitions (quantifier, qualifier)
 - Standards
 - Optimisation des méthodes LC et MS
- Stratégie de préparation biochimique pour l'enrichissement des cibles d'intérêt
- Analyse de résultats obtenus sur différentes cohortes
- Validation analytique (LOD, LOQ, répétabilité, reproductibilité...)
- Validation clinique : dosage LC-MRM de cohortes

**NOUVELLE
FORMATION**



Répartition de la formation



Durée : 3 jours

• IRMB Hôpital Saint Eloi,
Montpellier

Du 15 au 17 Mai 2018

1800 €

Référence : BB031

Intervenants : Pr Christophe Hirtz et Jérôme Vialaret, IRMB