



Quantification absolue de Biomarqueur protéique par des approches de spectrométrie de masse ciblée (LC-MRM) - Module 2 (Théorique et pratique)



**NOUVELLE
FORMATION**

Objectifs

Dans un premier temps, connaître les différentes stratégies pour la validation par spectrométrie de masse (LC-MRM) d'un biomarqueur protéique/peptidique identifié en amont par d'autres technologies.

- Présentation exhaustive des différentes approches envisageables : pré-analytique et analytique

Dans un deuxième temps, le module inclut un exemple concret d'application LC-MRM afin d'illustrer l'approche utilisée pour valider un biomarqueur :

- Purification de la cible d'intérêt par des approches biochimiques
- Design d'une méthode ciblée de spectrométrie de masse
- Validation de méthode incluant les contrôles qualités
- Analyse LC-MRM
- Retraitement/analyses des données

Ateliers pratiques :

- Préparation d'échantillon pour une analyse protéomique
- Quantification par LC-MRM (Triple quadripôle)
- Analyse/interprétation des données par Skyline

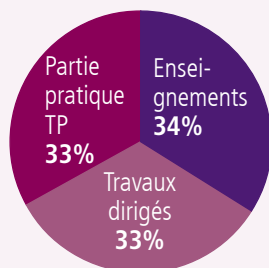
Public concerné

Techniciens, ingénieurs, chercheurs.

Programme

- Les stratégies d'analyse en protéomique quantitative
- Présentation d'un spectromètre de masse de type triple quadripôle.
- Analyse in silico des biomarqueurs d'intérêts : faisabilité analytique
- Comment intégrer ces résultats aux bases de données publiques ?
- Quantification ciblée (LC-MRM) de biomarqueurs protéiques
 - Sélection des peptides/transitions (quantifier, qualifier)
 - Standards
 - Optimisation des méthodes LC et MS
- Stratégie de préparation biochimique pour l'enrichissement des cibles d'intérêt
- Analyse de résultats obtenus sur différentes cohortes
- Validation analytique (LOD, LOQ, répétabilité, reproductibilité...)
- Validation clinique : dosage LC-MRM de cohortes

Répartition de la formation



Durée : 3 jours

• IRMB Hôpital Saint Eloi,
Montpellier

Du 12 au 14 Juin 2018

2100 €

Référence : BB032

Intervenants : Pr Christophe Hirtz et Jérôme Vialaret, IRMB